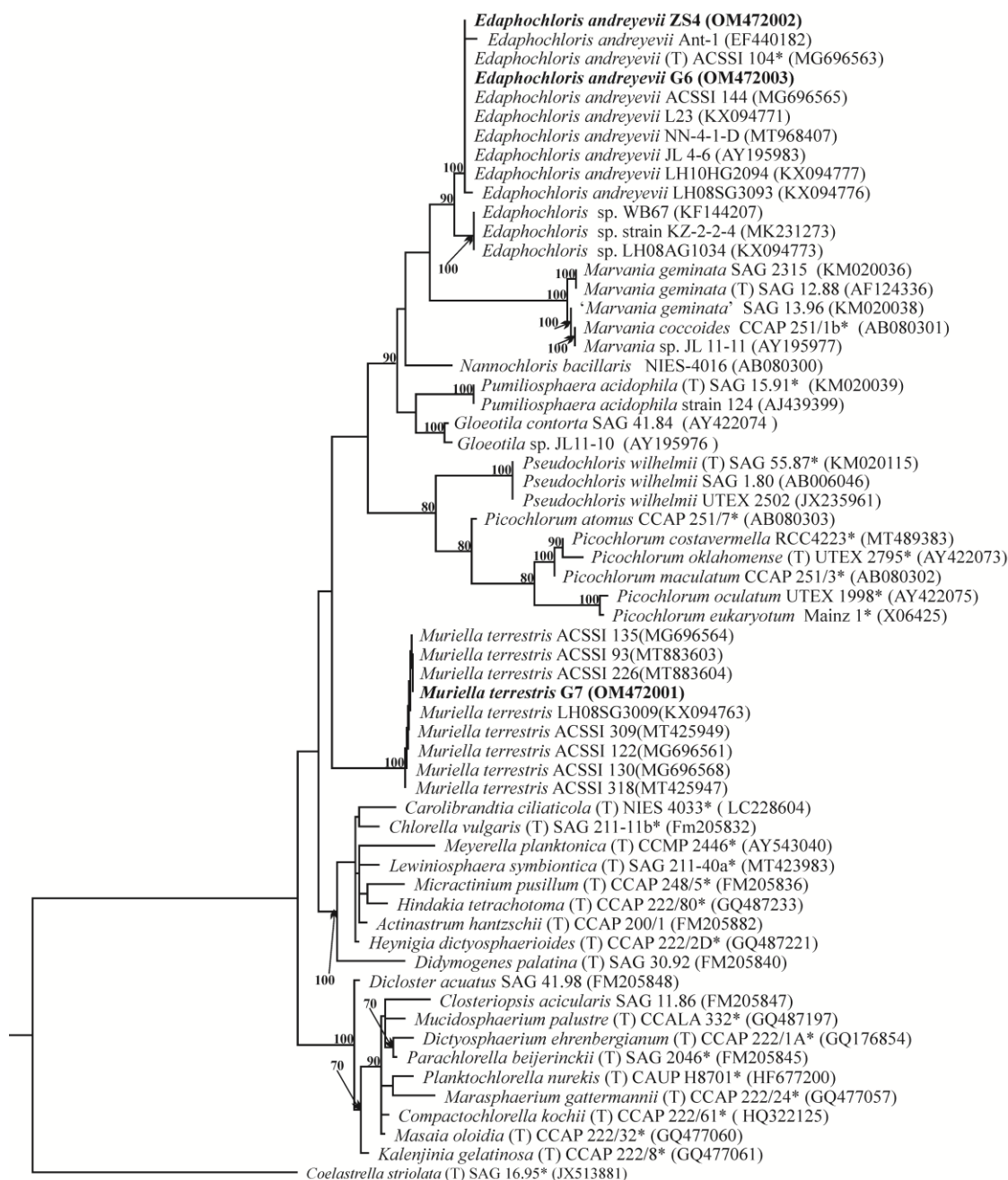
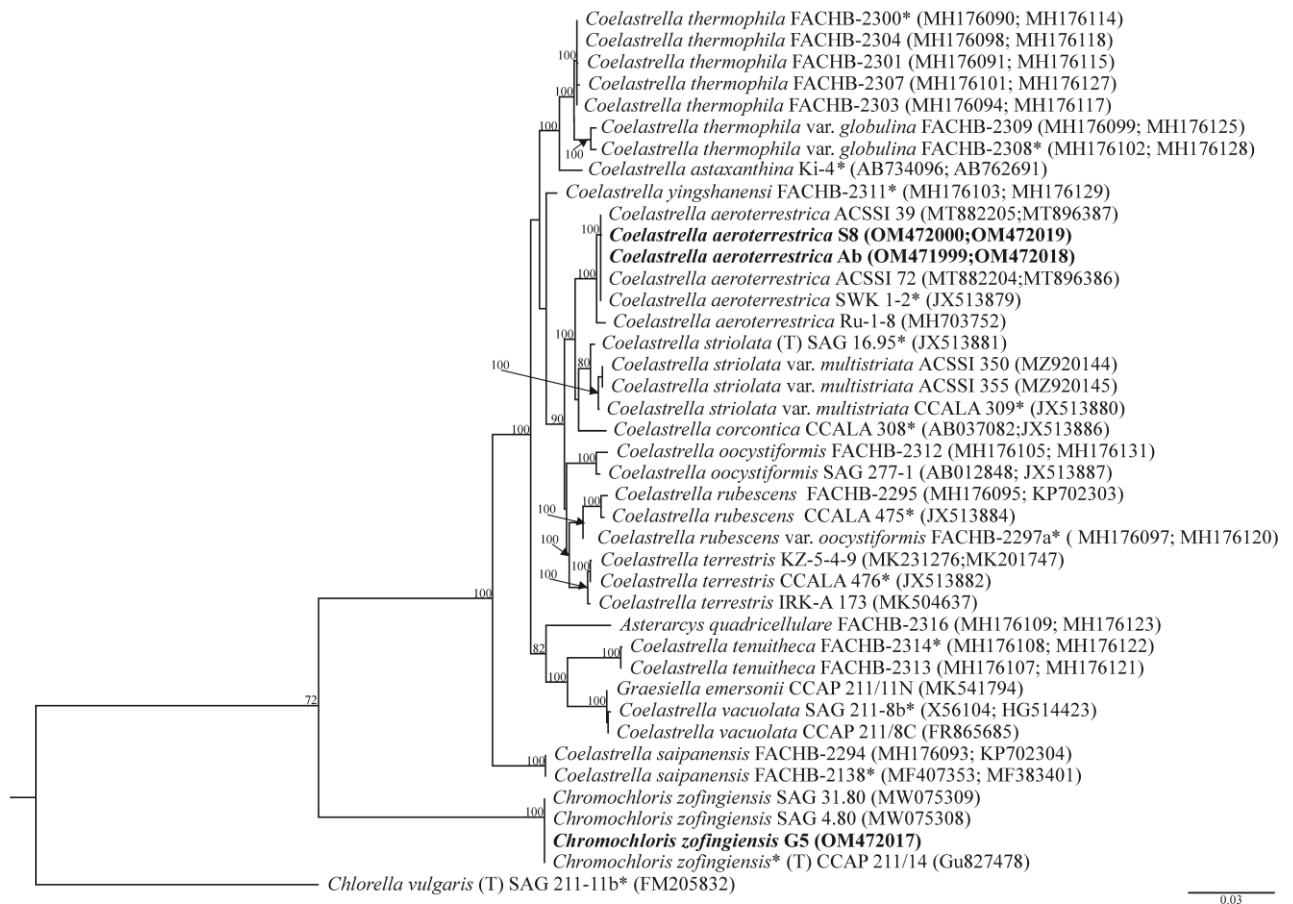






0.01

**Прилож. 2.** Укорененное филогенетическое дерево исследуемых зеленых микроводорослей родов *Edaphochloris* и *Muriella* (Trebouxioophyceae, Chlorophyta), построенное методом максимального правдоподобия (ML), на основе последовательностей гена 18S рНК (1757 п.н.). Модель нуклеотидных замен: GTR + I + G. Пояснения: см. рис. 1.



**Прилож. 3.** Укорененное филогенетическое дерево исследуемых зеленых микроводорослей родов *Coelastrella* и *Chromochloris* (Chlorophyceae, Chlorophyta), построенное методом максимального правдоподобия (ML), на основе нуклеотидной последовательности 18S–ITS1–5.8S–ITS2 (2489 п.н.). Модель нуклеотидных замен: GTR + I + G. Пояснения: см. рис. 1.